

Numéros de CDPS	Informations disponibles dans les bases de données	
	Organisme	Locus du gène
50	<i>Streptomyces</i> sp. F12	pFRL6_147c
51	<i>Nocardiopsis gilva</i>	D475_RS0128060
52	<i>Kutzneria albida</i> DSM 43870	KALB_7471
53	<i>Staphylococcus pseudintermedius</i>	SPSE_RS03685
54	<i>Bacillus</i> sp. 171095_106	H139_RS0110570
55	<i>Bacillus</i> sp. NSP9.1	M654_RS0118580
56	<i>Streptomyces albus</i>	IH64_RS29765
57	<i>Streptomyces</i> sp. CNH287	H299_RS0130965
58	<i>Nocardiopsis halophila</i>	D450_RS0105200
59	<i>Xenorhabdus doucetiae</i>	XDD1_0394
60	<i>Photorhabdus luminescens</i> BA1	BA1DRAFT_RS13010
61	<i>Mycobacterium neoaurum</i>	BN1047_02312

Annexe électronique 1 : Informations disponibles

données pour chaque CDPS potentielle	
Identifiant de la protéine	Commentaire
WP_024127498.1	
WP_026126430.1	
AHI00829.1	probablement partielle à cause d'une annotation de cod
WP_014613406.1	
WP_028408934.1	
WP_026588781.1	
WP_033229996.1	WP_033229996.1 est la nouvelle référence NCBI pour cette séquence. La conception du gène synthétique a été faite en utilisant la référence NCBI WP_031176477.1 qui a été enlevée depuis. WP_031176477.1 contient une séquence TGLP en C-terminal qui n'est pas présente dans WP_033229996.1
WP_027751606.1	
WP_017537615.1	
CDG16097.1	
EYU14754.1	
CDQ44434	L'ancienne référence NCBI est WP_030135402.2.

bles dans les bases de données et séquen

Séquence codante de référence

complément des nucléotides 134060-134761 of NC_023286 nucléotides 15369-16028 of NZ_ANBG01000445 complément des nucléotides 8448062-8448769 of CP007155 nucléotides 844175-844846 of NC_017568 nucléotides 1004638-1005351 of NZ_AZVK01000004 nucléotides 371373-372122 of NZ_KE819965

complément des nucléotides 19267-20078 of NZ_JODZ0100003:

nucléotides 345319-346008 of NZ_KE384253
nucléotides 765-1490 of NZ_ANAD01000044
nucléotides 372331-373041 of FO7045505
complément des nucléotides 10083-10766 of NZ_JFGV01000039
complément des nucléotides 660461-661165 of LK021338.1

ces relatives à chaque CDPS potentielle

Données de séquences relatives à chaque CDPS potentielle

Gène synthétique

Séquence en acides aminés

CCATGGATCAGGCAGGCGGTTGTGCAG MDQAGGCAAMTVEPLSAACA AVVARGEH/
CCATGGTTCGTCCGCTGAGCCCGTATT(MVRPLSPYCVPALAERTHACLGISPFNGYFT
CCATGGTTCGTGGGGTGTCTGACCA(MVPWGVLTTSPLVPSCPLPTAVDHSVCLGVS
CCATGGCACTGCAGCAGTTTAAAGTTG(MALQQFKVDFTENCKKIYQRKKHVILGISI
CCATGGCAAGCCAGATTCTGCTGGAAA(MASQILLEKIAKPLFAIEPLSQNCQRIFERRI
CCATGGCAACCGAACTGATGATCGAAA(MATELMIESKHSLFKTETLSQNCHEILTRRF

CCATGGCAAATGTTCCGGAACGTCTGG(MANVPERLEFSLEPMTENCASVCERREHVV

CCATGGCAAGCGCAAATTTCTGGTTG(MASAKFLVEPFTENCYEVYQKKEHVVFVGS
CCATGGATGTTAGCGGCACCGGTCCGG MDVSGTGPEPQRPVFTAEPFGQDGRVLEI
CCATGGCCTATAAAGTTAGCCTGCAGG(MAYKVSLQAQGFKANHYMDKTVLLISVC
CCATGGCCAGCTATACCTTTTTTAGCAA MASYTFFSKAAFNFDFKEKTALLGSKVILLIS'
CCATGGCAACCACCACCTGCTGAGTC(MATTTLLSPDLELASHSHKAAF DLKGLQYE'

elle

Commentaire

codon GCA (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage
codon GCA (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage
codon GCA (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage

codon GCA (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage

codon GCA (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage

codon GCA (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage

codon GCA (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage

age
age
age

age

age

age

age