

Enzyme de modification	Informations disponibles dans les bases de données	
	Organisme	Locus du gène
A	Sphingobium japonicum UT26S	SJA_c1-32600
B	Streptomyces sviveus ATCC 29083	SSEG_06807
C	Pseudomonas aeruginosa PA21_ST175	H123_18836
D	Pseudomonas aeruginosa PA21_ST175	H123_18831
E	Pseudomonas aeruginosa PA21_ST175	H123_18826
F	Pseudomonas aeruginosa PA21_ST175	H123_18821
G	Pseudomonas aeruginosa PA21_ST175	H123_18816
H	Pseudomonas aeruginosa PA21_ST175	H123_18811
I	Vibrio brasiliensis LMG 20546	VIBR0546_16853
J	Burkholderia lata	Bcep18194_C7321
K	Gordonia effusa NBRC 100432	GOEFS_047_00080
L	Gordonia effusa NBRC 100432	GOEFS_047_00050
M	Nocardia brasiliensis ATCC 700358	O3I_025455
N	Streptomyces albulus CCRC 11814	K530_11830
O	Pseudomonas sp. M47T1	PMM47T1_20103
P	Pseudomonas protegens Pf-5	PFL_1388
Q	Pseudomonas protegens Pf-5	PFL_1391
R	Streptomyces sp. AA4	SSMG_00950

## Annexe électronique 1 : Informations disponibles d

pour chaque enzyme de modification potentielle	
Identifiant de la protéine	Commentaire
YP_003546706.1	
EDY60340.1	
EME92464.1	
EME92463.1	
EME92462.1	
EME92461.1	
EME92460.1	probablement partielle à cause d'une annotation de cod
EME92459.1	
EGA64504.1	
ABB06365.1	
GAB18149.1	
GAB18146.1	
AFU03042.1	
EOT03808.1	probablement partielle à cause d'une annotation de cod
EIK94835.1	
YP_258517.1	
YP_258520.1	
EFL05279	

## ans les bases de données et séquences re

Séquence codante de référence
-------------------------------

Complément des nucléotides 3242533-3243528 de NC_014006
Complément des nucléotides 809817-811139 de CM000951.1
Complément des nucléotides 68998-69966 de AOIH01000010.1
Complément des nucléotides 68060-69001 de AOIH01000010.1
Complément des nucléotides 66633-68063 deAOIH01000010.1
Complément des nucléotides 65726-66607 deAOIH01000010.1
Complément des nucléotides 64750-65274 de AOIH01000010.1
Complément des nucléotides 63812-64702 de AOIH01000010.1
Complément des nucléotides 30895-31671 de AEVS01000084.1
Complément des nucléotides 915780-916583 de CP000150.1
Complément des nucléotides 8268-9113 de BAEH01000047.1
Complément des nucléotides 5076-6221 de BAEH01000047.1
Complément des nucléotides 5826509-5827282 de CP003876.1
Nucléotides 33851-34219 de AROY02000077.1
Complément des nucléotides 90035-90811 deAJWX01000020.1
Nucléotides 1569123-1569899 de NC_004129.6
Nucléotides 1572226-1573557 de NC_004129.6
Complément des nucléotides 1001761-1002501 de GG657746.1

## relatives à chaque enzyme de modification potentielle

### Données de séquences relatives à chaque enzyme de modification

Gène synthétique	Séquence en acides aminés
CCATGGTGCAAGCGTGGCATCTTGTCTC	MVQAWHLVSRPEGTLTMENVELRDVPLPP
CCATGGCGAACCATCCGGTCCCGGAAC	MANHPVPEQPADVVARLRATFRSGRTKPV
CCATGGCGTCAAGTAGTCCGAAACCAG	MASSSPKPVAWQLNRGSIYQDVYEKRIDK
CCATGGCCTCAGGCCTGCCGCAGTTTC	MASGLPQFHPCKAYLDDSRHLVFNQADGF
CCATGGCGAATTCCAAGGAAAACCTCGG	MANSKENSAPFPGLIAHHSWSCPATGHAE
CCATGGCCAGCAACATTCTCCGAGTGC	MASNILPSARMLDGMHLHFKEEDGFSRARK
CCATGGCAAACACCAAACCGAAAACGG	MANTKPKTASSPTLRAPVNLPAAMPLESQV
CCATGGCGAATCCGAATGCGACGTATG	MANPNATYALASAEIDGKLRFDSSDGFA
CCATGGCGATTATTCGCGTTAGCAAAGA	MAIRVSKDSLEMSHIMSLINKECSAIVIE
CCATGGCGAATCGCCCAGAGGAAGTTG	MANRPEEVDHAVIDVDEASLSADHILDLC
CCATGGCCACCACGACCTTAACGAAAAC	MATTTLTETTFTESPGDSSAARDRNELFVR
CCATGGCTACTGAAGTGGGCATCCTTG	MATELGILDVPIREGGTAREALQNAADLA
CCATGGCGCTGGATACCACGCGTCAGG	MALDTRQGFDRASLTALLNGDVHAVRLS
CCATGGCCAGCATTACCCGCCGTGCAA	MASITRRATFRELTHEREDILALIEGTVLAVHI
CCATGGCGCTGGCGACCATTGGCGCAG	MALATIGADALTPQLIQDLLAHRVYGIRIP
CCATGGCGTTTACGGTTACTACGGCGG	MAFTVTTADKLEARHILDVVEKRSYGVQL
CCATGGGTCTGGGTGCCTTCTTAAGTGC	MGLGAFLSGSGAHGGSWRHPQADADAS
CCATGACGAACCCCGCCGACAGTACG	MTNPADQYDQVATAFADVEAIISFVRENL

# Ile

## ification potentielle

### Commentaire

un codon GCG (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCG (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCC (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCG (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCC (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCA (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCG (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCG (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCG (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCC (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCT (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCG (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCG (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCG (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage  
un codon GCG (Ala) a été ajouté après le codon initiateur pour des raisons liées au clonage