

Annexe électronique 8 : Prédiction des groupes de CDPS ayant la même activité de synthèse de cyclodipeptides

Les séquences de CDPS utilisées dans l'arbre phylogénétique de la figure en annexe électronique 7 sont groupées en fonction de leur regroupement sur l'arbre et de l'identité de leurs poches P1 et P2.

Chaque groupe est présenté dans les feuilles 2 à 12.

Les onglets pour les groupes pour lesquels un motif de séquence pour P1 et P2 a été défini sont en vert, tandis que les onglets des groupes qui ne possèdent pas assez de membres caractérisés sont en violet,

Chaque feuille contient :

- le nom de la CDPS
- l'organisme d'origine
- le numéro d'identification de la séquence protéique
- les résidus constituant la poche P1
- les résidus constituant la poche P2
- la proportion relative de chaque cyclodipeptide produit lors d'une surexpression chez E. coli, selon le Tableau XX (table 1) et des références de la littérature B19 (les pourcentages en dessous de 5 % ne sont pas
- le motif de séquence (logo) pour les poches P1 et P2 lorsque celui-ci a été déterminé (c-à-d pour les groupes synthétisant du cyclo(Leu-Leu), du cyclo(Trp-Trp), cyclo(L-cystine) et du cyclo(Ala-Glu); feuilles 2 à 5 respectivement)