



Organisme	Numéro d'identification de la protéine	Poche P1 (33,35,65,67,119,185,186,200)	Poche P2 (152,155,156,159,204,206,207)	Activité lors d'une surexpression chez E. coli
CDPS 9	Legionelle pneumophila	WP_015445053.1	LGFPMLFF	cCC (100%)
CDPS 3	Austwickia chelonae NRBC 105200	WP_006503025.1	CGFPAMFF	cCC (63%) cCA (25%) cCV (12%)
CDPS 2	Streptomyces sp. AA4	WP_009082649.1	CGFPILFF	cCC (100%)
CDPS 7	Streptomyces somaliensis DSM 40738	WP_010473184.1*	CGFPMLFF	cCC (99%)
CDPS 1	Kutzneria sp. 744	EWM10567.1	CGFPALFF	cCC (100%)
CDPS 4	Saccharothrix espanaensis DSM 44229	WP_015099810.1	CGFPGMFF	cCC (100%)
CDPS 5	Amycolatopsis azurea DSM 43854	WP_005165333*	CGFPAMFF	cCC (100%)
CDPS 6	Amycolatopsis decaplanina DSM 44594	WP_007028561.1	CGFPAMFF	cCC (100%)
	Streptomyces sp. NRRL WC-3719	WP_031129207.1	CGFPMLFF	
	Lentzea albidocapillata	WP_030477307.1	CGFPGMFF	
	Streptomyces sp. NRRL WC-3641	WP_031112440.1	CGFPWLFF	
CDPS 50	Streptomyces sp. F12	WP_024127498.1	CGFPWLFF	
	Amycolatopsis alba	WP_020632030.1	CGFPAMFF	
	Allokutzneria albata	WP_030432179.1	CGFPALFF	
	Amycolatopsis japonica	AIG80603.1	CGFPAMFF	
	Amycolatopsis orientalis	WP_016337741.1	CGFPAMFF	
	Streptomyces rimosus	WP_030666956.1	CGFPMLFF	
CDPS 51	Nocardiopsis gilva	WP_026126430.1	CGYPSLFF	
	Kutzneria albida	WP_030108358.1	CGFPSLFF	
CDPS 52	Kutzneria albida DSM 43870	AH100829.1	CGFPSLFF	
	Legionella shakespearei	WP_018578277.1	LGFPMLFF	

Les CDPS biochimiquement caractérisées sont en bleu.

Les motifs de séquence (logo) déterminés pour les deux poches P1 et P2 accommodant les entités acides aminés à partir des CDPS biochimiquement caractérisées sont indiqués.

* séquence complétée en N-terminal

Les séquences de CDPS sélectionnées pour évaluer le caractère prédictif des motifs de séquences sont en orange