



Organisme		Numéro d'identification de la protéine	Poche P1 (33,35,65,67,119,185,186,200)	Poche P2 (152,155,156,159,204,206,207)	Activité lors d'une surexpression chez E. coli
CDPS 40	<i>Streptomyces albulus</i> CCRC 11814	WP_016572541	LLAAWIIV	TKFRQMT	cEA (97%)
CDPS 43	<i>Pseudomonas</i> sp. M47T1	WP_008372311.1	LLAAWIIV	TLFRQMT	cEA (100%)
CDPS 38	<i>Gordonia effusa</i>	WP_007317485.1	LLAAWIIV	TRFRQIS	cEA (97%)
CDPS 39	<i>Nocardia brasiliensis</i> ATCC 700358	WP_014985896	VLAAWIIV	TRFRQIS	cEA (96%)
CDPS 37	<i>Burkholderia lata</i>	WP_011350007.1	LLGAWIII	TVFRKMT	cEA (100%)
	<i>Streptomyces sclerotialis</i>	WP_030608090.1	VLAAWIIV	TRFRQMT	
	<i>Streptomyces albulus</i>	AIA07826.1	LLAAWIIV	TKFRQMT	
CDPS 60	<i>Photorhabdus luminescens</i> BA1	EYU14754.1	LLAAWIIV	TIFRQMT	
	<i>Nocardia brasiliensis</i> NBRC 14402	GAJ84339.1	VLAAWIIV	TRFRQIS	
	<i>Nocardia brasiliensis</i>	WP_029901023.1	VLAAWIIV	TRFRQIS	
	<i>Streptomyces</i> sp. NRRL S-31	WP_030753840.1	LLAAWIIV	TRFRQMT	
	<i>Gordonia malaquae</i>	WP_008377182.1	LLAAWIIV	TRFRQIS	
	<i>Streptomyces catenulae</i>	WP_030288602.1	VLAAWIII	TKFRQMT	
	<i>Burkholderia</i> sp. TJI49	EGD04991.1	LLAAWIII	TVFRKMT	
	<i>Xenorhabdus bovienii</i> str. Puntauense	CDG96849.1	LLVAWVII	TSFRRT	
CDPS 61	<i>Mycobacterium neoaurum</i>	WP_030135402.1	LLAAWIIV	TRFRQIS	
	<i>Burkholderia vietnamiensis</i> sp. AU4i	WP_021156571.1	LLGAWIII	TVFRKMT	
CDPS 59	<i>Xenorhabdus doucetiae</i>	CDG16097.1	VLAAWIII	TVFRKMT	
	<i>Burkholderia cepacia</i>	WP_027792782.1	LLGAWIII	TVFRKMT	
	<i>Bartonella rattaaustraliani</i>	WP_019223983.1	VLAAWIIV	TVFRQMT	

Les CDPS biochimiquement caractérisées sont en bleu.

Les motifs de séquence (logo) déterminés pour les deux poches P1 et P2 accommodant les entités acides aminés à partir des CDPS biochimiquement caractérisées sont indiqués.

Les séquences de CDPS sélectionnées pour évaluer le caractère prédictif des motifs de séquences sont en orange.