



Organisme	Numéro d'identification de la protéine			Activité lors d'une surexpression chez E. coli
		Poche P1 (33,35,65,67,119,185,186,200)	Poche P2 (152,155,156,159,204,206,207)	
VvmC	MULTISPECIES: <i>Bacillus</i>	WP_009329597.1	LGLAFFFL	cLL (87%) cLM (7%) cLF (5%)
	<i>Bacillus subtilis</i> subsp. <i>subtilis</i>	WP_003242712.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus thuringiensis</i> serovar <i>israelensis</i> ATCC 35646	WP_003254475.1	IGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Staphylococcus haemolyticus</i>	WP_011276926.1	IGLAPFFM	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Photobacterium luminescens</i> subsp. <i>laumondii</i> TTO1	WP_011144694.1	LGLPFYFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Marinomonas mediterranea</i> MMB-1	WP_013659485.1	FGLPFYFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Corynebacterium jeikeium</i> K411	WP_011273511.1	IGLPIAYL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus licheniformis</i>	WP_003185269.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus licheniformis</i>	WP_016886565.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus licheniformis</i>	WP_017474576.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
CDPS 13	<i>Bacillus licheniformis</i> S 16	EWH23340.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus licheniformis</i> 9945A	WP_020452964.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus licheniformis</i>	KFM84676.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus</i> sp. CPSM8	WP_023856295.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	MULTISPECIES: <i>Bacillus</i>	WP_025810757.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus</i> sp. NSP.1	WP_026588781.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus subtilis</i> subsp. <i>spizizenii</i> str. W23	WP_003219776.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus subtilis</i>	KFI02807.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus vallismortis</i>	WP_010328738.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus subtilis</i>	WP_017695293.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
CDPS 55	<i>Bacillus subtilis</i> subsp. <i>spizizenii</i> TU-B-10	WP_014115313.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus subtilis</i>	KDE22764.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus subtilis</i> subsp. <i>subtilis</i> QB928	WP_003228079.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus subtilis</i> subsp. <i>inaquosorum</i> KCTC 13429	WP_003235413.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	Sporosarcina pasteurii	WP_029725980.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	hypothetical protein Q433_19195 [Bacillus subtilis] subsp. <i>subtilis</i> str. OH 131.1]	AIC99802.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus</i> sp. EGD-AK10	WP_021480699.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus mojavensis</i>	WP_010332030.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus cereus</i> BGSC 6E1	WP_000149737.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	MULTISPECIES: <i>Bacillus cereus</i> group	WP_000180150.1	IGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
CDPS 54	<i>Bacillus bombysepticus</i>	AHX21797.1	IGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus thuringiensis</i> serovar <i>tochigiensis</i> BGSC 4Y1	WP_000180149.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus thuringiensis</i> IBL 4222	WP_000180151.1	IGLAFPL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus</i> sp. 171095_106	WP_028408934.1	LGLAFFFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus cereus</i> VD200	WP_002184276.1	LGLPFYFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Bacillus cereus</i> VD196	WP_016126223.1	LGLAFYFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Staphylococcus lugdunensis</i> VCU150	KAK58476.1	IGLAPFFM	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Staphylococcus lugdunensis</i> VCU148	WP_002492512.1	IGLAPFFM	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Staphylococcus pseudintermedius</i>	WP_014613406.1	IGLAPFFM	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Photobacterium temperata</i>	WP_031280733.1	LGLPFYFL	d'après Belin et al. (2012) N
CDPS 53	<i>Photobacterium temperata</i> J3	ERT13278.1	LGLPFYFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Photobacterium temperata</i> subsp. <i>temperata</i> Meg1	KERO4202.1	LGLPFYFL	d'après Belin et al. (2012) N
	<i>Photobacterium luminescens</i> BA1	EUY14765.1	LGLPFYFL	d'après Belin et al. (2012) N

Les CDPS biochimiquement caractérisées sont en bleu.

Les motifs de séquence (logo) déterminés pour les deux poches P1 et P2 accomodant les entités acides aminés à partir des CDPS biochimiquement caractérisées sont indiqués.

Les séquences de CDPSs sélectionnées pour évaluer le caractère prédictif des motifs de séquences sont en orange

lat. Prod Rep. 29, 961-979
lat. Prod Rep. 29, 961-980
lat. Prod Rep. 29, 961-981
lat. Prod Rep. 29, 961-982
lat. Prod Rep. 29, 961-983

lat. Prod Rep. 29, 961-983